																				immunocytoma	
								CLL039		CT.T.057			CLL114		CT.T.202	2020		CLL209		X09249	
	ı	A	GAC			¢	1	GAC	A	טאַט	;				י ק	9 (a	GAC	А	GAC	
Ľ			TIC			Þ	4	TIC	Ŀ	T.L		<u> </u>	TIC	[h	ر ا) 1 [ž,	TIC	[z,	TIC	
F.	Ħ ;	≥	TGG			ž	: 1	Ď.	×	TGG	} ;	≥	TGG	3	. F.) } }	≥	TGG	Z	TGG	
	:	z	AAC			Þ	;	AAC	z	AAC	١	4	GAC	Z	AAT	;	4	AAC	Ω	GAC	
						V.	1 6	֡֝֝֝֝֟֝֝֟֝֝֟֝֝֟֝֟֝֝֟֝֟֝֟֝֟֝֟֝֟֟ ֖֓	Ø	GCC) 	7	TTA	æ	S) 0	מ	$\mathbf{I}^{\mathbf{CC}}$	ß	AGC	
						U.	É	£	Ø	GCA	C	פ	GGT	≊	TGG) }	4	CCC	ద	AGG	
						1		1 1	Ö	9)	1	ഗ	TCT	ָ כי	ס	ပ္ပမ္မ	ı	!	
				×	TAC	≥		5 5 1	Þ١	TAT	>	ΗÌ	TAC	×	TAC	>	4)	TAC	×	TAC	
				3	E C	ž	ן נ		ĭ≥l	TGG	13	≥)	TGG	×	TG1	3	= }	133	×	133	
۳	ì			(လ	AGC	ß	ן נ		တ	AGC	o	ונ	AGC	လ	AGC	ď	ı l	Pg	හ	AGC	
D6-13				വി	AGC	ഗ	וכ וכ		(C	AGC	U	ol	PgG PgG	တ	AGC	O.	1		တ	AGC	
				ωl	AGC	S	ול		ω)	AGC	ď	2]	AGC	മ	AGC	U.	1	AGC	တ	AGC	
										- •						•				TAT	
				ଅ।	999	ტ	ו נייט נייט		اك	GGA	פ	1) (0) (0)	യി	999	ບ	ı į	9	וט	999	
															ACC						
	H/0	í	3			ഗ	L	;	4	CAI	2	1))	ഗ	TCG	0	;	CAA	Ħ	CAT	
30	ĸ	-	AGA												AGG			•		•	
$V_{\rm H}4 - 39$	Æ	200	ָ פַּ												90		-	-		_	
	ບ	Ę	15.			ບ	TGI	τ	¦ ر	TGI	ບ	E	5	υ	TGT	ບ	E	5 1	ပ	TGT	

Set II.

2/16

CLL ID 47 CLL 4B 1 AF087422 AJ239333 CLL240 CLL342 CLL183 R Y Y
AGA TAC TAT
R Y Y
CGC TAC TAC
R Y Y
AGA TAC TAC
R Y Y
AGG TAC TAC
R Y Y
AGG TAC TAC
R Y Y
AGG TAC TAC GAT D D D D GAT GAT GAT GAT GAT Y
Y
Y
TAT
W
TGG
Y
Y
FE ក្នុក ក្នុក ក្នុក ក្នុក ក្នុក

SMZL Tierens, A.M. U3 CLL-H2B 1 TO CLL 3 2 AJ239371 AJ487492 CLL270 CLL266 CLL340 U86787 TAC
Y
TAC F D
TTT GAC
F D
TTT GAC
F D
TTT GAC
F D
TTT GAC
F D
TTT GAC Y
TAC
H
CAC
N
N
AAC
N
R
CGAC
N
TAC
S
S
AGC EAC CAC E GAG R R AGA R R AAA R AAA B GAA GAAA T T AACG CTG CTG CTG F A A A GG A A A GG A A A GG Gelgelgelgelgelge | TGG
 V_H1-02

 A
 B

 GCG
 GTA

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 A
 B

 B
 B

 B
 B

 B
 B

 B
 B

 B
 B

 B
 B

 B
 B

 B
 B

 B
 B


```
AF376953 Digheiro PIQ U2
                                                                                                                                                                                                                                                             J84176 KEM (VH1-46) <sup>5</sup> UO
                                                                                                                                                                                                                                                                                          U84162 BYR (VH1-46) 5 U0
                                                                                                                                                                       AF376961 LAN Digheiro
                                                                                                                                                                                                  L01278 CLL-412 3
                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                    CLL154 (VH1-18)
                                                                                                                                                                                                                                J86801 4 U3/1
                                                                                                              CLL336
                                                                                                                                         CLL360
                                                                                              Y
Y
Y
TAC
                                                                                              F TTT 
                                                                                              Y
TAC
Y
Y
Y
TAC
P
CCCC
P
TAC
N
TAC
N
ACC
N
N
AAC
N
AAC
N
H
H
CAC
                                                                                               N N AAC GGG GGG GGG
                                                                                              | TGG 
                                               V<sub>H</sub>1-03
C A
TGT GCG 2
```

FIG. 1 - 4

L	n
	ı
7	-
C	ָל
È	II

Set IV.

Martin, France AF460965 α-cardiolipin AJ414008 CLL 022 Russia AAC51720 CLL SMI CLL258 J_B3 F D I TTT GAT GTC ATC ATC ATC ATC ATC ATC ATC ATC ATC TIT F F F TIT F F TIT D T GAT D GAT O CAT GIT TAN DESTRUCTION OF THE PROPERTY OF THE PROPERT TAT စ္ ရွိေရ ရွိေရ စစ္အေရ စစ္အေရ စစ္အေရ စစ္အေရ D/E GA AGA AGA AGA AGA AGA

AF376959 SIN Digheiro UO AJ389179 GN12 8 ID64 2 AAC51697 FUH ⁵ AJ239372 AC ATT ATT OF THE TIME TIME TO CTG D3-10 ATG ATG ATG ATG ATG ATG ATG ATG ATG C A R R C A AGA G AGA G

Set III.

7/16

AF299104 IF case 10 10 AF174100 sc77u-16 AJ239379 ID28 2 AJ389178 GN11 8 CLL175 CLL412 GAC GAC D GAC D GAC D GAC D
 C
 A
 R
 E/D

 TGT
 GCG
 AGA
 GA

 Y
 Y
 Y
 Y
 GG
 M

 AT
 TAC
 TAC
 TAC
 TAC
 GGT
 AT

 C
 A
 R
 D
 A
 N
 G
 M

 TGT
 GCG
 AGA
 GAT
 CGG
 AAC
 GGT
 ATG

 C
 A
 R
 D
 A
 N
 G
 M

 TGT
 GCG
 AGA
 GAT
 CAG
 AAC
 GGT
 ATG

 C
 A
 R
 D
 Q
 N
 G
 M

 TGT
 GCG
 AGA
 GAT
 CAG
 AAC
 GGT
 ATG

 C
 A
 R
 D
 Q
 N
 G
 M

 TGT
 GCG
 AGA
 GAT
 CGA
 AAC
 GGT
 ATG

 C
 A
 R
 B
 D
 <td ATG

```
AF099198 Tre 11 012/0-2 JK2
                                                                                                                                                                                                                               AJ414007 CLL021 Russia U0
                                                                          Y
Y
Y
Y TAC AF099198 Tre <sup>11</sup>
Y TAC AJ239373 ID38 <sup>2</sup>
Y TAC AJ239373 ID38 <sup>2</sup>
Y TAC AJ555263 GO14
Y TAC AJ555263 GO14
                                                                                                                                                                                                                                                                     AJ239373 ID38 2
                                                                          D
GAC
GAC
D
GAC
D
GAC
D
GAC
                                                                              Y
TAC
Y
TAC
H
TAC
H
CAC
CAC
                                                                                                                               | YGG | CTG | GTA | C |
| YGG | CTG | GGT | GGC |
| YGG | CTG | GGC | CTG |
| YGG | CTG | GGC | CTG |
| YGG | CTG | GGC | CTG |
| YGG | CTG | GGC | CTG |
| YGG | CTG | GTA | CTT |
| YGG | CTC | GTA | CTT |
| YGG | CTC | ATA | CTT |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | GTA |
| YGG | CTC | ATA | ATA |
| YGG | CTC | GTG |
| YGG | CTC | ATA |
| YGG | ATA |
| YGG
```

FIG. 1 - 9

9/16

v	' _H 1-0	2	D	6-19								J_H4				
С	A	R	D/E									F	D	Y		
TGT	GCG	AGA	GA								AC	TTT				
		v	·	Q	W	Ē	V									
	GG	GTA	TAG	CAG	TGG	CTG	GTA	C								
								_								
C	A	R	E	Q	W	<u>L</u>	V	L	E	н	Y	F	D	Y		
TGT	GC <u>G</u>	AGG	GAG	CAG	TGG	CTG	GTA	CTT	GAG	CAC	TAC	TTT	GAC	TAC	CLL011	
C	A	R	v	Q	W	$\overline{\mathbf{r}}$	G	L	R	-	н	F	D	Y		
TGT	GC <u>G</u>	AGA	$\mathbf{G}\mathbf{T}\underline{\mathbf{G}}$	CAG	TGG	CTG	<u>G</u> GC	TTA	AGA		CAC	TTT	GAC	TAC	CLL270	
C	A	R	E	Q	W	<u>L</u>	G	A	E	-	И	F	D	Y		
	GCG	AGA	<u>GAG</u>	CAG	TGG	CTG	<u>G</u> GC	GCA	GAA		AAC	TTT	GAC	TAC	CLL266	
C	A	R	E	Q	M	<u>L</u>	v	ь	K	-	N	F	Ð	Y		
TGT			GAG	CAG	TGG	CTG	GTA	CTG	AAA		AAC	TTT	GAC	TAC	CLL340	
C	A	R	V	Q	$\overline{\mathbf{w}}$	<u>L</u>	L	L	E	_	R	F	D	Y		
TGT				CAG	TGG	T <u>T</u> A	$\underline{\text{TTA}}$	CTC	GAA		CGA	TTT	GAC	TAC	AJ239371	CLL 3 ²
C	A	R	N	Q	\overline{M}	$\overline{\mathbf{r}}$	G	L	D	-	X	F	D	Y		
TGT				<u>CAG</u>	TGG	CTG	$\underline{\mathbf{G}}\mathbf{G}\mathbf{T}$	CTC	GAC		TAC	TTT	GAC	TAC	AJ487492	SMZL Tierens, A.M.
C	A	R	Ε	Q	<u>w</u>	<u>r</u>	$\overline{\Lambda}$	R	T	-	S	F	D	Y		
TGT	GCG	AG <u>A</u>	<u>GAG</u>		TGG				ACG		AGC	TTT	GAC	TAC	ช86787	CLL-H2B 1 U0
C	A	R	E	<u>Q</u>	<u>w</u>	<u>L</u>	<u>v</u>	L	s	-	Y	F	D	Y		
TGT					TGG	CTG		<u>C</u> TA	TCT		TAC	TTT	GAC	TAC	CLL336	
C	A	R	E	<u>Q</u>	<u>w</u>	ഥ	<u>v</u>	L	-	N	Y	F	D	Y		
TGT				CAG	TGG	CTG	<u>GTA</u>	<u>C</u> TT		AAC	TAC	TTT	GAC	TAC	CLL360	
C	A	R	E	<u>Q</u>	<u>w</u> _	<u> </u>	A	L	K	-	P	F	D	Y		
C		AGA			TGG									TAC	AF376961	LAN Digheiro
	A	R	K	<u>Q</u>	<u>W</u>	프	A	I	V	N	Y	F	D	Y		
TGT	A.	AGA			TGG								GAC		L01278 (LL-412 ³
		R	E	<u>Q</u>	<u>w</u>	Ē	G	L	P	-	T	F	D	Y		
C	A A	AGA	GAG		TGG										U86801 4	U3/1
		R	V CUU	Q	<u>W</u>	Tr	G	Г	T	G	P	N	D	Y		_
C	A	R	G		TGG					GGG					U84176 KE	M (VH1-46) ⁵ UO
				<u>Q</u>	<u>W</u>	<u>L</u>	Δ <u>π</u> α	I	L	-	N	F	D	Y		
C	A	R	D		TGG W	_							GAC		U84162 BY	TR (VH1-46) 5 UO
				$\frac{\nabla}{\nabla}$	TGG	L CTC	P	T	-	N	N	F	D	X.		
c	A	R	E		W										AF376953	Digheiro PIQ U2
				<u>Ω</u>	TGG	TTTC	<u>V</u>	L Cur	S	-	H	F	D	Y		
C	A	R	o i	Q	W	T.	G	G	ICI						CLL154 (VH1-18)
			_		TGG	ᅋ				D	Y	F TTT	D	Y		
C	A	R	R	Q	W	L	A	L		GAC	H	F			CLL026	
					TGG							TTT	D	Ϋ́	37000100	m. 11 asa ta a
JK2	_	_								GGC	CAC	***	GAC	IAC	AF099198	Tre 11 012/0-2
C	A	R	Q	<u>Q</u>	W	F	G	v		Y	¥	F	D	Y		
				CÃA	<u>TGG</u>			GTG		TAC					AJ414007	G77001 D
C	A	R	Q	Q	W	L	v	L		P	Y	TTT F	D	Y	AU41400/	CLL021 Russia U0
TGT	GCG			CÃG	TGG	CTG	GT'A	بيليك				TTT			AJ239373	ID38 ²
C	A	R	E	Q	W	L	I	v		T	H	F	D	Y	AU 4333/3	TD30
TGT				CÃG	TGG							TTT			AJ555263	G014
C	A_	R_	ō	0	W	L	v	L		D	Y	F	D	Y	AU 333403	G014
TGT	GCG	AGA	CAG	CĀG	<u>W</u> TGG	CTG	GTG	TTG		GAC		TTT			AJ272398	AG 12
C	A	R	E	Q	W	L	V	L		s	N	F	D	Y	AVA 12330	AG
					_	t av				~	-1	_	H156		HOW 13	
												_		- 44	1.011	

10/16 FIG. 2

		CDR1	CDR2	CDR3
mine LEGER	GAGTAGBEYEAKK BESSAKARCKY EGGL	PSSYAI SWVRQAPGQGLEW	nggiipifgtanyaqkeqgevtitad:	KSTSTAYNELSSLRSEDTAVYYCARD YYDYVWGSYRY DAFDVNGQGTHVIVE
L258			*******************	GGIpn
9	***************************************			
I				
L022			• • • • • • • • • • • • • • • • • • • 	8
reensus R				
neensus	GAÖTAÖSGVRAKKEGSBAKASCKVZCGL	/95YAI SWVRQAPGQGLEW	hggiipifgtamkyökbögkalitydi	kststaynelsblrsedtavyycarggdydyvwgsyrxddafdimgQgtmytyr
_E VIII		CDR1	CDR2	anna
entina	QVQLVQSGAEVKKPGSSVKVSCKASGGT	FSSYAI SWVRQAPGQGLEW	nggiipipgtanyaokfogrvtitad	CDR3 KSTSTAYMBLESLRSEDTAVYYCARD DIVVVPAAI YYYYYGHDVWGGGTTV3
41	********************	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •		**************************************
A4 13				
nsénaus	QVQLVQSGAEVKKPGSSVEVSCKASGGT	PSSYAISWVROAPGOGLEW	KGGITPIKGTANYAOKEOGRUTTTAN	E GG. MR ESTSTAYMELSSLRSEDTAVYYCARGGDIVVVPAAMX-YYYYGADVWGQGTTV:
7.5		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	TOOTEL THUISMING MOUNTED	STRING THE STREET THE STREET OF STREET OF STREET
t. JV		CDR1	CDR2	CDR3
rmline L561	QVQLVQSGAEVEKPGSSVKVSCKASGGTI	/ssyaiswvr <u>o</u> apgoglew	nggiipifgtanyaqkfqgrvtitad)	CDR3 KSTSTAVNELSSLRSEDTAVYYCARDMVRGVII YYYYYGHDVWGQGTTVTVSS
21 21				EAM.QQTYXXXXXX
22				
12				
ET.				F
64 N	************************			E
	OVOLVOSGARVKKPGSSVKVSCKA BOGOS			EX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.LX.L.X.L.X.X.L.X.X.L.X.X.X.X.X.X.X.X.X.X.X.X.X.X.X.X.X.X.X.X
				dotataturepararedtavxxcarxm\rqvitxxxxxxxmdomckgttatas
II		CDR1	CDR2	CDR3
mline	QVQLQQWGAGLLRPSETLSLTCAVYGGSE	/sgytwswirqppgkglew:	igrinhagstnynpalkarvtisvdts	CANADAI AL COMBRA PORTINGIA DE TENENTE PORTINGIA DE LEGISTRA
5183 5240				
342		, • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	N. TG. PTIER R. A. I
4.B				
47				
asensus	QVQLQQWGAGLLKPSETLSLTCAVYGRSF	egyywbwiroppokolen?	igeinhegetnynpelker v tisydte	SKNOPSLKLSSVTAADTAVYYCARGYGDTPHIRRXYYYGHDVWGQGTTVTVBB
·VIa		CDR1	_ : CDR2	CDR3
rmline	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTE	TGYYMHWVRQAPGQGLEW	GWINPNSGGTNYAOEFOGRVTMTRD	PSISTAYMELSRLRSDDTAVYYCARDQWLV YPDYWGQGTLVTY68
L011 L166	***************************************			······································
L270	*************************	· • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	
L340	*******************************		••••••••	VGLEE
143	*******************************	. 		C trup
v18	• • • •		R N	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
L-HZB				7 Details
sensus	QVQLVQSGAEVKKPGAEVKVSCKASGYTP	TGYYMHWVRQAPGQGLEWN	(Gwinphbggtnyaorfogrvtmirdi	rsistaymelsrlesddtaviycareqwlvlen-fdywgqgtlytyss
·VIb		CDR1	CDR2	Chps
mline	QVQLVQ8GAEVKKPGA6VKV3CKA8GYTF	TSYAMEWVRQAPGQRLEWS	MINACONTRYCOPPORTUTODA	SASTAYMELSBLESEDMAVYYCARDQWLV YFDYWGQGTLVTVSS
336	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	IT		2.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4.4
200				
t	***************************************	·		
-412	***********************			V STINT
-412				K. AIVN
-412				K. AIVN
t -412 ! sonsus		TSYAMHWVRQAPGQRLEWM	GHINAGNGNTKYBQKFQGRVTITRDT	K. AIVA. B. GLD-T. PTN-N PTN-N PSASTAYMELSSLRBEDTAVYYCAREGHLALM-YJDYWOQGTLVTVBS
-412 sensus VIC	QVQLVQSGARVKRPGABVKVBCRASGYTF	TSYAMEWVRQAPGQRLEWM CDR1	gwinagngntkyborpogrytitrdt	K. AIVN. B. GLP-T. PTN-N. PSASTAYMELSSLREEDTAVYYCARRQWLALM-YFDYWGQGTLVTVBS
-412 sonsus VIC		TSYAMBWVRQAPGQRLEWMCDR1_ TSYGTSWVRQAPGQGLEWM	ighinagngntkyborþogrvtitrdi CDR2 IGHIBAYNGSTNYAOKLOGRVTNTTDT	K. AIVN. B. GLD-T. PTN-N. PTN-N. SASTAYMELSSLESEDTAVYTCAREQWILAUN-YFDYWQQGTLVTVSS CDR3 CDR3 CDR3 CDR3
sensus VIC mline 154		tsvamhwyrqapggrlewm <u>CDR1</u> TSYGISWyrqapggglewm	ighinagngntkyborfogrvtitrdt CDR2 ightsayngntnyagrlogrvthttdt	K. AIVN. B. GLP-T. PTN-N. PSASTAYMELSSLREEDTAVYYCARRQWLALM-YFDYWGQGTLVTVBS
VIC	G QVQLVQBGABVKKPGABVKVSCKASGYTP QVQLVQBGABVKKPGASVKVSCKASGYTP BN.	TSYAMIWVRQAPGQRLEWM <u>CDR1</u> TSYGISWVRQAPGQGLEWM CDR1	IGWINAGNGNYKYBORPQORVTITRDT CDR2 IGWISAYNGNYNYAGRIQGRVYNYYDY	K. ATVN. B. GLD-T. PTN-N. SASTAYMELSSLRSEDTAVYICAREQUIAIN-YFDYWGQGTLVTVSS CDR3 STSTAYMELRSLRSDDTAVYYCARDQMLV YFDYWGQGTLVTVSS G. E. LEH.
VIC mline 154	G QVQLVQBGABVKKPGABVKVSCKASGYTP QVQLVQBGABVKKPGASVKVSCKASGYTP BN.	TSYAMIWVRQAPGQRLEWM <u>CDR1</u> TSYGISWVRQAPGQGLEWM CDR1	ogwinagngwykegrpogrvtitrdt CDR2 Gwisayngriniagrlogrviwitdt CDR2 Gginpeggerykerrot	K. AIVA. B. GLP-T. PTR-N. PSASTAYMELSSLRSEDTAVYYCAREQWLALN-YFDYWQQGTLVTVSS CDR3 SSTSTAYMELRSLESDDTAVYYCARDQMLV YFDYWGQGTLVTVSS G. E. LSH. CDR3 FETSTVYMELSBLRSEDTAVYYCARDQMLV YFDYWGQGTLVTVS
VIC mline 154	QVQLVQBGABVKKPGASVKVSCKASGYTP QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTP HN.	TSYAMEWYRQAPGQRLEWM CDR1 TSYGISWYRQAPGQGLEWM CDR1 TSYYMEWYRQAPGQGLEWM	ogwinagngwykeorfogrytitrdt CDR2 Gwisayngrinyaglogrytyttdt CDR2 Goinfegetsyagrfogrytytrdi	K. AIVN. B. GLP-T. PTR-N. PERS-N. CDR3 CSASTAYMEL8SLRSEDTAVYYCAREQWIAIN-YFDYWGQGTLVTVSS G. E. LSH. CDR3 CDR3 FETSTVYMELSBLRSEDTAVYYCARDQNLV YFDYWGQGTLVTVS LIM-
VIC nline 154	QVQLVQBGABVKKPGASVKVSCKASGYTP QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTP HN.	TSYAMEWYRQAPGQRLEWM CDR1 TSYGISWYRQAPGQGLEWM CDR1 TSYYMEWYRQAPGQGLEWM	ogwinagngwykeorfogrytitrdt CDR2 Gwisayngrinyaglogrytyttdt CDR2 Goinfegetsyagrfogrytytrdi	K. ATVN. B. GLP-T. PTN-N. PATN-N. CDR3 CSASTAYMELSSLRSEDTAVYYCAREQWLALN-YFDYWGQGTLVTVSS G. E. LSH. CDR3
VIC nline 154 VId mline	QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTP QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTP QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTP	TSYAMEWVRQAPGQRLEYE CDR1 CDR1 CDR1 TSYMEWVRQAPGQGLEWM TSYYMEWVRQAPGQGLEWM	ighinachgntwybordorvtitrdt CDR2 Ighibayngntwyaorlogrvtmttdt CDR2 Igitnpbggbtsyaorbogrvtmtrdt	K AIVN. B GLP-T. PTN-N CDR3 CDR3 CSASTAYMELSBLREEDTAVYYCAREQWLAUN-YFDYWGQGTLVTVSS G E LSB. CDR3 CDR3 CDR3 CDR3 CDR3 CDR3 CDR3 CDR3 CDR3 FSTSTVYMELBBLRSEDTAVYYCARDQWLV YFDYWGQGTLVTVS
onsus VIC mline 154 VId mline sensus	QVQLVQSGABVKKPGASVKVSCKASGYTF QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTF E. N. QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSCKASGYTF	TSYMHHVRQAPGQGLEWN CDR1 TSYGISWVRQAPGQGLEWN CDR1 TSYYMHWVRQAPGQGLEWN CDR1	GURZ CDRZ GURZ	K. ATVN. B. GLP-T. PTN-N. CDR3 CSASTAYMELSSLRSEDTAVYYCAREQWLALM-YFDYWGQGTLVTVSS G. E. LSH. CDR3 CDR3 CDR3 CDR3 CDR3 CDR3 CSTSTVYMELSBLRSEDTAVYYCARDQNLV YFDYWGQGTLVTVS ILN- VGLTGFN CSTSTVYMELSSLRSEDTAVYYCARGQMXXXXXXDYWGQGTLVTVS
sonsus VIC mline 154 VId mline sensus VIe	G Q Q Q L V Q S G A E V K P G A S V K V S C K A S G Y T P C V Q L V Q S G A E V K P G A S V K V S C K A S G Y T P C V Q L V Q S G A E V K P G A S V K V S C K A S G Y T P C V Q L V Q S G A E V K P G A S V K V S C K A S G Y T P C V Q L V Q S G A E V K P G B A S V K V S C K A S G Y T P C V Q L V Q S G A E V K P G E S L R I S C K G S G Y S F E V Q L V Q S G A E V K P G E S L R I S C K G S G Y S F	TSYAMHWVRQAPGQRLEYM CDR1 TSYGISWVRQAPGQGLEWM CDR1 TSYYMHWVRQAPGQGLEWM TSYYMHWVRQAPGQGLEWM TSYXHHWVRQAPGQGLEWM	IGHINACNGNTKYBOKPOGRVTITRDI CDR2 CDR2 GOI INPEGGSTSYAOKPOGRVTHTRDI GGI INPEGGSTSYAOKPOGRVTHTRDI GGI INPEGGSTSYAOKPOGRVTHTRDI CDR2 GGI INPEGGSTSYAOKPOGRVTHTRDI GGI INPEGGSTSYAOKPOGRVTHTRDI	K. ATVN. B. GLP-T. PTN-N. CDR3 CSASTAYMELSSLRSEDTAVYYCAREGWLALN-YFDYWGQGTLVTVSS G. E. LSH. CDR3 FETSTVYMELSSLRSEDTAVYYCARDQNLV YFDYWGQGTLVTVS ILN- VGLTSFN. CSTSTVYMELSSLRSEDTAVYYCARGQNLXXXXXDYWGQGTLVTVS CDR3 CSTSTVYMELSSLRSEDTAVYYCARGQNLXY YFDYWGQGTLVTVSS CSTSTVYMELSSLRSEDTAVYYCARGQNLXV YFDYWGQGTLVTVSS CSTSTVYMELSSLRSEDTAWYYCARGQNLXV YFDYWGQGTLVTVSS
VIC mline 154 VId mline seensus VIe mline 026	G Q Q Q L V Q B G A E V K P G A S V K V S C K A S G Y T P G V Q L V Q B G A E V K K P G A S V K V S C K A B G Y T P G V Q L V Q B G A E V K K P G A S V K V S C K A B G Y T P G V Q L V Q B G A E V K K P G A S V K V S C K A B G Y T P E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q E G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q E G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V C T C T C T C T C T C T C T C T C T C	TSYAMEWVRQAPGQRLEYM CDR1 TSYGISWVRQAPGQGLEWM CDR1 TSYYMEWVRQAPGQGLEWM TSYXMEWVRQAPGQGLEWM CDR1 TSYXMEWVRQAPGQGLEWM	IGHINACHGNTKYBORFOGRVTITRDI CDR2 IGHISAYNGRINYAQKIQGRVIHTTDI CDR2 IGIINPBGGBTSYAQKFQGRVTHTRDI IGIINPBGGBTSYAQKFQGRVTHTRDI CDR2 IGRIDPBBFTNYSPBFQGHVTIRADR	K. AIVN. B. GLD-T. FTN-N
vic mline 154 VId mline sensus VIC mline	G Q Q Q L V Q B G A E V K P G A S V K V S C K A S G Y T P G V Q L V Q B G A E V K K P G A S V K V S C K A B G Y T P G V Q L V Q B G A E V K K P G A S V K V S C K A B G Y T P G V Q L V Q B G A E V K K P G A S V K V S C K A B G Y T P E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q E G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q E G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V C T C T C T C T C T C T C T C T C T C	TSYAMEWVRQAPGQRLEYM CDR1 TSYGISWVRQAPGQGLEWM CDR1 TSYYMEWVRQAPGQGLEWM TSYXMEWVRQAPGQGLEWM CDR1 TSYXMEWVRQAPGQGLEWM	CDR2 CDR2	K. AIVA. B. GLD-T. PTT-N PTT-N PSASTAYMELSSLESEDTAVYICAREQWIALM-YFDYWQQGTLVTVSS CDR3 CDR3 CDR3 CDR3 CTSTSTAYMELSBLESEDTAVYYCARDQNLV YFDYWGQGTLVTVS LIAN- PSASTAYMELSBLESEDTAVYYCARDQNLV YFDYWGQGTLVTVS CDR3 CSTSTAYMELSBLESEDTAVYYCARQQMKXXXXXIDYWGQGTLVTVS CDR3 CSISTAYLQNSSLRASDTAMYYCARQQMKXXXXXIDYWGQGTLVTVS GGD. GGD. S. ALGE
VIC mline 154 VId mline sensus VIe mline 025	G Q Q Q L V Q B G A E V K P G A S V K V S C K A S G Y T P G V Q L V Q B G A E V K K P G A S V K V S C K A B G Y T P G V Q L V Q B G A E V K K P G A S V K V S C K A B G Y T P G V Q L V Q B G A E V K K P G A S V K V S C K A B G Y T P E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q E G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q E G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V C T C T C T C T C T C T C T C T C T C	TSYAMEWVRQAPGQRLEYM CDR1 TSYGISWVRQAPGQGLEWM CDR1 TSYYMEWVRQAPGQGLEWM TSYXMEWVRQAPGQGLEWM CDR1 TSYXMEWVRQAPGQGLEWM	GMINAGNGNYKYEQKPQGRVTITRDT CDR2 GMISAYNGRYNYAQKIQGRVTMYTDT GDR2 GGINPSGGSTSYAQKFQGRVTMYRDT GDR2 GDR2 GRYDPSDSYNNSPSFQGHVTHADK CDR2 GRYDPSDSYNNSPSFQGHVTHADK	K. ATVN. B. GLD-T. PTR-N. CDR3 CSASTAYMELSBLRSEDTAVYTCAREQWLALN-YFDYWGQGTLVTVSS G. R. LSB. CDR3 FETSTAYMELRSLRSEDTAVYYCARDQNLV YFDYWGQGTLVTVS LLN- CSTSTVYMBLEBLRSEDTAVYYCARDQNLV YFDYWGQGTLVTVS LLN- CSTSTVYMELSSLRSEDTAVYYCARGQWKKKKXXIDYWGQGTLVTVS CDR3 CSISTAYLQWSSLRABDTAMYYCARGQWKKKXXXIDYWGQGTLVTVSB GGD. GGD. GGD. GGD. GGD. GGD. GGD. S. R. ALGH. PGYY. LP.
VIC	G Q Q Q L V Q B G A E V K P G A S V K V S C K A S G Y T P G V Q L V Q B G A E V K K P G A S V K V S C K A B G Y T P G V Q L V Q B G A E V K K P G A S V K V S C K A B G Y T P G V Q L V Q B G A E V K K P G A S V K V S C K A B G Y T P E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q E G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q E G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V C T C T C T C T C T C T C T C T C T C	TSYAMEWVRQAPGQRLEYM CDR1 TSYGISWVRQAPGQGLEWM CDR1 TSYYMEWVRQAPGQGLEWM TSYXMEWVRQAPGQGLEWM CDR1 TSYXMEWVRQAPGQGLEWM	GMINAGNGNYKYEQKPQGRVTITRDT CDR2 GMISAYNGRYNYAQKIQGRVTMYTDT GDR2 GGINPSGGSTSYAQKFQGRVTMYRDT GDR2 GDR2 GRYDPSDSYNNSPSFQGHVTHADK CDR2 GRYDPSDSYNNSPSFQGHVTHADK	K. AIVA. B. GLD-T. PTR-N PT
VIC mline 154 consus VIC mline 154 consus VIC	G Q Q Q L V Q B G A E V K P G A S V K V S C K A S G Y T P G V Q L V Q B G A E V K K P G A S V K V S C K A B G Y T P G V Q L V Q B G A E V K K P G A S V K V S C K A B G Y T P G V Q L V Q B G A E V K K P G A S V K V S C K A B G Y T P E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q E G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q E G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V Q L V Q B G A E V K K P G B L R L B C K G B G Y B F Q E V C T C T C T C T C T C T C T C T C T C	TSYAMHWVRQAPGQRLEYM CDR1 TSYGISWVRQAPGQGLEWM CDR1 TSYYMHWVRQAPGQGLEWM CDR1 TSYMHSWVRQAPGGGLEWM CDR1 TSYMISWVRQAPGKGLEWM	CDR2 CDR2 CDR2 CDR2 CDR2 CONTINUAÇÃI Q GRUTHTIDT CDR2 CONTINUAÇÃI Q GRUTHTRDI CDR2 CR2 C	K. AIVA. B. GLP-T. PTD-N. PETA-N. CDR3 CSASTAYMELSBLRBEDTAVYICARROWLALM-YFDYMOQGTLVTVSS G. R. LSB. CDR3 FETSTAYMELRBLRBEDTAVYYCARDOWLV YFDYMGQGTLVTVS LIM- FETSTVYMBLBBLRBEDTAVYYCARDOWLV YFDYMGQGTLVTVS LIM- CSTSTVYMELSBLRSEDTAVYYCARGOWKKKKKXEDYMGQGTLVTVS CDR3 CDR4 CDR5 CDR5 CDR7 CDR

11/16 FIG. 3

Amino	Ammo acid alignments of the L chain variable regions of all soquences in each Cost
set IV Germline CLL068 CLL258	CDR1 CDR1 CDR1 CDR2 EIVLFQSPGFLSLSFGERATLSCRASQSVSSSTLAWYQQXFGQAPRLLIYGASSRATGIPDRFSGSGSGTDFTLTISRLSFEDFAVYYCQQYGSSFFTFGQGTKVEIX
Consensue	ARFY CORBENBUB KIVLIQSPGILBLERPGKRAILEGCRASQSVBSSTLAWYDQKFGQAFRILIYGASSRAIGIPDRFGGSGGGTDFILTISKLEPEDFAVYXQQQYGSSFGOTKVEIK
Set VIII Geraline E GO13	CDR3 EIVITQSPATLSLSPGBRATLSCRASQSVSSYLAWYQQXPGQAPRLLIYDASHRATGIPARFSGSGBGTDFILTISGLBPEDFAVYYCQQRSHFGGFKVDIK
Set W " Germline RF22 GN12 Consensus	CDR1 QSVLTQPPSALSGTPGQRVTISCSGSSSNIGSNITVN4YQQLPGTAPKLLIYSNNQRPSGVPDRF8GSKSGTSALSISGLQS QSVLTQPPSALSGTPGQRVTISCSGSSSNIGSNITVN4YQQLPGTAPKLLIYSNNQRPSGVPDRFSGSKSGTRARIAISGTGS
Set I Germline CEL183 CEL240 CH342 CONSEMBUS	
Set VI Consensus CLL011	
CLI.270	A A
CLL336	
CLE360	다. (S)
CL1154	
6014	·····································
Consensus	DIQUITQSPSELBABVUDIVITICBAEQBISSYLNIVYQQREGKAPKALITAASGLOGGTPSRRAGGGGTTHENT TO GOT ADSTRUMENT TO GOT A

12/16 FIG. 4

	VK AZ/ Q Q Y G S S P P	dag dag tat ggt ago toa oot co	W T F G			*** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** *** ***				··· ·· · · · · · · · · · · · · · · · ·		(wanderson) It is not been been been been been been been bee	carour (macutar wo producing clone)	מיניון כי		1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11
				CTJ.068		OT.T.ORD		NE O		TWS.		CT.T.022	770	a-cardfolinin		
17.	<u>а</u> н	c yat you the gat and		•	25. 25. 25. 25. 25. 25. 25. 25. 25. 25.	:	•	:	• ;	: ,	E 20	:	550		. :	22
1	DAFDI	ag.		•	•	:	•	:	•		•	;	•	•	מי ייי יוני ייי מי טטי ייי יוני ייי יוני ייי מי ייי יוני	17
	Eq.	5		•	•	:		: '	. :	•	•	: ,	•	•	:	20
	Ø.	5	-	•	•		• :		. :	•	•	: (• :	•	:	ย
	А	, and a		•			•		. ;	•	. :		. ;	•	:	18
	•	,	BCC	Z	ď	Z		Z	10	Z		Z	4	z	ų	11
		×	ta	Ø	ď	ρ,	ָ בְּיִים	<u>,</u>	COG	ß	20	Д	900	ູໝ	9	14 15 16
		ø	븅	•	:	•	:	•	:	•	:	•	;	•	:	15
		þ	ä	٠	:	•	:	•	:	•	:	•	:	•	:	14
		Ø	ag	•	:	•	:	•	:	•	:	•	:	٠	:	13
19		O	g	•	:	•	:	٠	:	•	•		:	•	:	ដ
D3-16		3	5	•	:	•	:	٠	:	•	:	•	:	•	:	11
ľ		>	벎	•	:	•	:	٠	:	Н	4	٠	:	Н	d	3.0
		Þ	ğ	•	:	•	:	•	:	•	:	•	:	•	:	ø,
l		A	胡	•	:	•	:	•	:	•	:	•	:		:	œ
		YYDYVWGSYR	tat tat gat tac gtt tgg ggg agt tat cgt tat	•	:	•	:	•	:	•	;	•	:	•	:	-
		×	Ë	А		Н	ät.	Д	GG.	z		А	3.	z		ø
	国		Б	_ເ	930		3 3¢	U	866	Ü	939	დ დ	-68	Ö	990	เก
	A B			ŋ	-ga	Ö	·89	Ö	·ga	ש	•gs	O	96	Ö	ģ	4
0	K §			•	:	٠	:	٠	:	٠	:	•	:	•	:	m
$V_{\rm H}1-69$	C A R D/E			•	ag	٠	99 ggt at	•	ga gag ca	٠	ga ggd a	•	8.88.85	•	:	N
Ä	ပ္ န္		1	•	;	•	:	•	:	•	:	•	:	•	:	-1

13/16 FIG. 5

,T.3	NWPPP rease tyg cet cc FTFGPG a tic act tic cre cct cre		• :	10
15) ក្នុង		• :	o
	т В С В С В		• :	œ
	ಈ # # #		•	7
	OORSNWP Cag cag cgt agc aac tgg cct FTF		• • • • • • • • • • • • • • • • • • •	7 6 7
	E H B K		. :	M
	O O R S N Cag cag cgt ago aac F		• :	4
	ed g		• :	m
يعا	Ox B		• :	es es
Value	OX S		• :	н
		FS41 UCA4	G013	
JE	₽ E F	• : •	• :	18
[]	Y Y V	. : .	• :	17
	‡ K	i 1		9
	ag S	លៈដូច	or g	15
	H ata	展:。 は 。 。 。 。 。 。 。 。 。 。 。 。 。 。 。 。 。 。	M M 89	8 9 10 11 12 13 14 15 16 17 18
	get B	• : •	• :	8
	get 🕽	• .	• :	2
	EDIVVVPAAI		. ;	11
D2-2	P g d	. : .	• :	50
2	> 3	• : •	• :	Ø
	gta		• :	
	H	• : •	• :	7
	a ta	• : •	• :	ù
	H 2	D 8 €	ro is	r)
	CARD/E	G G M S	G.G M.R	4
9	더 gg	• : •	• ;	m
VH1-69	A R gog aga	• : •	• :	8
V _E	ບ ສູ້	• : •		H

14/16 FIG. 6

χ. *			U	gga				•	*.	•	:							11
$J_{\lambda}I/3*$			ഥ	tto				•	:		:							10
_			>	gtg ttc				•	:	[z,	:							6
	Дı	ខ្ល	≱⊣	tgg ;				24	;	1	-							ω.
	ש	ggt		12				•	:		:							7
	z	aat		-					:	•	:							ω
	L N	tgg gat gac age ctg aat ggt		ŀ					:	•	:							ın
	Ø	agc						٠	:	•	:							4
9	А	gac		-				•	:	•	:							ന
$V_{\lambda}1-16$	N N	gat						•	:	•	:							73
ζ,	×	tgg						•	:	•	:							ri
		m			CLL561	MJ21		RF22		GN12		FUH		ID64		SIN		
$J_{\rm H}6$	≽i	tac			•		:		:	•	:	٠	:		:	•	:	r S
ج,	Д	tac			•	•	:	•	:	•	:	•	:	•	:	•	:	14
	≯ı	at tac tac tac			•	: •	:	•	:	•	: :	ч	gte et.	А	:	0	Э	13
		a t		ac	H	T <	; ;	Þ	; ;	Н	ند	>		Н	ttg g.	ы	tee etg	77
			Н	gt att act atg gtt cgg gga gtt att ata	O !	ė H	ig.	E	ភូ	Ü	99.	Z	8	耳	cac	മ	too	Ħ
			MVRGVI	att	•	•	:	•	:	•	:	٠	:	•	:	•	:	20
			>	de	•	•	:	•	:	•	:	•	:	٠	:	•	:	თ
10			Ü	.66 E			:	•	:	•	:	•	:	•	:	•	:	80
D3-10			14	CG	Oi !	rd •	:	•	:	Q	ų.	Q	ų.	•	:	•	:	7
			>	g gt	•	: •	:	٠	:	•	:	•	:	•	:	•	:	ω
	田		Z	at	•	•		•	:	• •	.9.	•	:	•	:	•	:	ĸ
	A R D/E	व दुव	H	a ac	ď	. A	: 5	Ü	Ġ.	ש	gag .g	ໝ	g t	ď	:		بٔ	4
	œ	쭚	Н	벎	•	: •	:	•	;	田	B	•	:		pi	•	:	m
Val-69		gcg aga		4		: .	5		•		:		Ď		:		•	

15/16 FIG. 7

1.	e			- 4	잂		:		:		:					12
Ċ	4		•	<u>ر.</u>	5	•		•	*:	•	:					11
+6/64	ተ ጅ ጋ		,	H H M	tgg acg ttc ggc	•	*** #** *** *** *** *** *** *** *** ***	•		•						
	•		ı	-	9 30	•	: *	•	#	•	:					01 6
1				3	4	•	*. D	•	*. ,	•	:					
		ρı	ខ្ល			•	:	ı	;	•	:					œ
		μ	aca cac tgg cct			•	:	•	:	•	:					7
		Z	tgg			•	:	٠	:	•	:					w
		口	Cac			•	:	•	:	٠	:					រោ
-		H	aca			•	:	•	:	•	:					4
		ט	ggt			•	:	•	4	•	:					m
ľ	AT.	Oi	Caa			•	:	•	:	•	:					cı
	Vk AI7	MOGTHWP	atg caa ggt		l	•	:	•	:		:					, 1
				•		CLL183		CLL240	•	CLL342		CLL 4B		ID47		
`	$J_{\rm H}6$	ы	É			•	بد :		:	•	:	•	:	•	:	13
	כו	Ы	rac			•	:	•	:	•	:	•	:	•	:	14
		YYY	at tac tac tac		ı	24	agat	ρΥ	G	04	aga	œ	8 66	吆	çğ.	13
		•	at		ac	H R R	ga	24	cgg	×	ega a c	氏 당	55e 55. 5	M	g., a.,g cg	12 13
				>	ţ	H	aga	[Eq	بر :	Н	:	>	:	VIK	ed ed	11
					gtg gat aca get atg gtt	H	20	>	-	•	:	٠.	:	>	:	10
	2			VDTAM	gt.	ρı	gg	Д	:	ρį	:	Д		А	rg.	თ
	D5-5				ca	•	:		יָּג	-	;		:	•	:	&
	А				ata		:		:		:		:		:	7
				_	5	ප				ש	ģ.	Ωı	:	C ₄		v
				سن	5	⊳		Y	۵ به	ĭZ.	93	≱-i	ည္မ	E4	tt	រប
						į×.	ığ Çğ	~	t).	-	Ď.	Z Z	g t	1-4	'n	4
		ש	. B			•		•	:	•	:	iQ;	:	•	:	m
	VH 4-34	CARG	ogt gog aga 99				13	٠	a tat .c t c	٠	tgg	•	ca tac cc.	•	d ttc dca.	77
	4	⋖	t go			•	:	•	:	٠	:	•	:	•	:	
	5	r	Ö		- 1		:	•	:	•	:	•	:	•	:	н

16/16 FIG. 8

	J _x 1/2*
V _H 1-02 D6-19 J _H 4	AA OTS / OS
	QQSYSTPP
CARD/E ac tac tit gas tac	W T F G
A * O M T A	g tgg aog tto ggo
gg gta tag oag tgg otg gta o	
	1011
tt gag c	L266
THE MEDICAL PROPERTY OF THE PARTY OF THE PAR	
CI. R. H CLI	L270 · · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
	L340 · · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
- ty daw	
A T T E - K	
t.a t to gas "" " "	v18 (marginal zone lymphoma)
	LL-H2B
	LL336
L S	gg
1, -11	LL360
X T. K = 10	AN
	LL-412 · · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
	LL-412 · · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
	ro
	-16
	LL154
ta tot 0.	
	BYR
	and the second s
	KEM
tg .ttgo .tg acg ggg cog aa	CLL026
	2000
	TRE
R A L - G H	*** *** *** *** *** *** *** ***
	CLL021
t.d.db gry	
	ID38
	- R
	GO14
	AG
	<u>ac</u>
	HOW
R LD -	
nucleotide sequence not available 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13 14 15	1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 11 12 13
1 2 3 4 5 6 7 8 5 20 22 22	